

## بررسی الگوی مقاومت آنتی بیوتیکی و تشخیص فنوتیپی آنزیم های بتالاکتاماز وسیع الطیف سویه های کلبسیلا پنومونیه جدا شده از نمونه های کلینیکی و تعیین حداقل غلظت مهار کنندگی آنتی بیوتیک های ایمی پنم و سفنازیدیم

دکتر رسول یوسفی مشعوف\*، یگانه علیجانی\*\*، دکتر مسعود سعیدی جم\*\*\*، دکتر محمدیوسف علیخانی\*\*\*\*  
حسین رشیدی\*\*\*\*\*

دریافت: ۹۲/۳/۲۸، پذیرش: ۹۲/۸/۷

### چکیده:

مقدمه و هدف: از جمله مکانیسمهای مقاومت آنتی بیوتیکی در باکتری های گرم منفی به خصوص سویه کلبسیلا پنومونیه، تولید آنزیمهای بتالاکتاماز وسیع الطیف (ESBLs; Extended-Spectrum  $\beta$  lactamase) است. ژن های کد کننده ESBLs معمولاً روی پلاسمید قرار گرفته اند و قابلیت انتقال به سویه های گرم منفی دیگر را نیز دارند. به دلیل اهمیت موارد فوق، شناخت الگوی مقاومت و حساسیت آن نسبت به آنتی بیوتیک های  $\beta$ -لاکتام هدف این مطالعه قرار گرفت.

روش کار: برای انجام این مطالعه توصیفی - تحلیلی، نمونه های مختلف کلینیکی بیمارستانهای بروجرد و همدان در طی مدت ۶ ماه جمع آوری و با تست های بیوشیمیایی و کیت انتروسیستم تعیین هویت شدند. جهت تایید سویه ها از ژن Ure D به عنوان ژن داخلی سویه کلبسیلا پنومونیه به روش PCR استفاده شد. بررسی مقاومت آنتی بیوتیکی با روش دیسک دیفیوژن انجام شد. برای بررسی وجود ESBLs از روش PCT (Phenotypic Confirmatory Test) استفاده گردید و حداقل غلظت مهار کنندگی (Minimal inhibitor concentration; MIC) آنتی بیوتیک های سفنازیدیم و ایمی پنم به روش E-test انجام شد.

نتایج: بیشترین میزان مقاومت سویه های کلبسیلا پنومونیه مربوط به آنتی بیوتیک های سفکسیم ۴۶/۷٪، سفتریاکسون ۴۳/۳٪، آزترنومام ۴۳/۳٪، سفوناکسیم ۴۱/۷٪، کوتریماکسازول ۴۰/۸٪، سفنازیدیم ۳۶/۷٪ و کمترین مقاومت مربوط به آنتی بیوتیک های ایمی پنم ۰٪، سپیروفلوکساسین ۱۶/۷٪، سفیم ۲۵٪ و جنتامیسین ۲۶/۷٪ بود. بیشترین تعداد سویه های کلبسیلا پنومونیه ایزوله شده از نمونه ادرار ۷۲ سویه (۶۰٪) و کمترین تعداد از ترشحات چشم ۱ مورد (۰/۸٪) جداسازی شدند. ۵۶ سویه ۴۶/۷٪ به عنوان سویه ESBLs مثبت شناخته شدند. با استفاده از نوار E-test برای آنتی بیوتیک سفنازیدیم ۶۶ سویه مقاوم ۱۰ سویه نیمه حساس و ۴۴ سویه حساس شدند و با روش E-test برای آنتی بیوتیک ایمی پنم ۱۲۰ سویه حساس شدند.

نتیجه نهایی: شیوع بالای مقاومت آنتی بیوتیکی و تولید ESBLs در مناطق مورد مطالعه، نشان دهنده نیاز به غربالگری نمونه های کلینیکی از نظر ESBLs توسط آزمایشگاه و استفاده از آنتی بیوتیک های مناسب با قدرت ممانعت کنندگی بتالاکتامازی و آنتی بیوتیک ها به صورت ترکیب با کلوالانیک توسط پزشکان می باشد.

کلید واژه ها: بتا لاکتامازها / حداقل غلظت مهار کنندگی / کلبسیلا پنومونی / مقاومت آنتی بیوتیکی

### مقدمه:

با این وجود، اغلب به عنوان یکی از فلورهای طبیعی دستگاه تنفس و گوارش در انسان و حیوانات مطرح می گردند. کلبسیلا پنومونیه به عنوان یک میکروارگانیسم ساپروفیت در نازوفارنکس و روده انسان وجود دارد. در

گونه های کلبسیلا جزء باکتریهای گرم منفی هستند که در طبیعت انتشار وسیعی دارند. آنها را در اطراف آب های سطحی، خاک، فاضلاب ها و بر روی گیاهان می توان یافت.

\* استاد گروه میکروبیولوژی دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی همدان

\*\* کارشناسی ارشد میکروبیولوژی دانشگاه علوم پزشکی همدان (pegah\_57@yahoo.com)

\*\*\* دانشیار گروه بیوتکنولوژی دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی همدان

\*\*\*\* دانشیار گروه میکروبیولوژی دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی همدان

\*\*\*\*\* کارشناسی ارشد ایمونولوژی دانشگاه شاهد

غیرفعال شدن آنها می گردند. بتالاکتامازهای وسیع الطیف (Extended-Spectrum  $\beta$  Lactamase ; ESBLs) که جزء بتالاکتامازهای گروه A می باشند، باعث هیدرولیز سفالوسپورینهای وسیع الطیف و در نتیجه بروز مقاومت باکتریایی به پنی سیلین و سفالوسپورینهای نسل اول و دوم و سوم می شوند و توسط مهارکننده های بتالاکتامازی مانند کلارولانیک اسید مهار می گردند (۸) همچنین یکی از مکانیسم های مقاومت آنتی بیوتیکی در باکتری های گرم منفی به خصوص کلبسیلا پنومونیه، تولید آنزیم بتالاکتاماز وسیع الطیف است. ژن های کدکننده ESBLs معمولاً روی پلاسمید وجود داشته و قابلیت انتقال به سویه های گرم منفی دیگر را نیز دارند. بنابراین، شناخت الگوی مقاومت و حساسیت آن نسبت به آنتی بیوتیک های بتا لاکتام در درمان و کنترل عفونتهای ناشی از این میکروارگانیسم نقش به سزایی دارد (۹). به همین علت، این مطالعه به منظور بررسی مقاومت آنتی بیوتیکی و حساسیت سوشهای کلبسیلا پنومونیه و میزان تولید ESBLs در باکتریهای ایزوله شده (کلبسیلا پنومونیه) در بیمارستانهای شهرستانهای بروجرد و همدان صورت گرفت.

### روش کار:

جداسازی و تعیین هویت سویه ها: در این مطالعه توصیفی - تحلیلی حجم نمونه براساس بازه زمانی ۶ ماه محاسبه و حدود ۱۲۰ سویه کلبسیلا پنومونیه جدا شد. نمونه برداری از بیمارستانهای بروجرد و همدان صورت گرفت. نمونه های مختلف کلینکی شامل ادرار، خلط، خون، زخم، ترشحات ریوی، مدفوع، ترشحات چشم و مایع پلورال از بخش های عمومی، ICU، CCU، قلب، داخلی، بیماران سرپایی (OPD)، ارولوژی، نفرولوژی و اطفال جمع آوری شدند. نمونه ها ابتدا بر روی محیطهای کشت بلاد آگار و ائوزین متیلن بلو (Merck، آلمان) کشت داده شدند و برای مدت ۲۴ ساعت در دمای ۳۷ درجه سانتیگراد انکوبه شدند. پس از انکوباسیون با تستهای بیوشیمیایی استاندارد و کیت انتروسیستم (Liofilchem، ایتالیا) تعیین هویت انجام شد. در این مطالعه ژن UreD جهت تایید گونه کلبسیلا پنومونیه به عنوان ژن داخلی مورد استفاده قرار گرفت، این ژن مسؤل کد کردن آنزیم اوره آز می باشد که جهت هیدرولیز اوره توسط گونه کلبسیلا پنومونیه مورد استفاده قرار می گیرد. سپس سویه ها در محیط TSB Broth + Glycerin و فریزر  $70^{\circ}\text{C}$  - برای مراحل بعدی نگهداری شدند.

حدود ۳۸-۵٪ افراد جامعه ناقل این باکتری در مدفوع و ۱-۶٪ ناقل باکتری در نازوفارنکس هستند. این باکتری متداول ترین گونه از این جنس در ارتباط با بیماری های انسانی می باشد (۱-۳).

کلبسیلا پنومونیه و کلبسیلا اکسی توکا تقریباً عامل تمام موارد عفونت های مرتبط با انسان در جنس کلبسیلا هستند. هرچند که تعداد عفونت های ایجاد شده توسط کلبسیلا پنومونیه بسیار بیشتر از کلبسیلا اکسی توکا می باشد. در مراکز بهداشتی شیوع عفونت های کلبسیلابی بیشتر از جامعه می باشد. پرسنل بیمارستان به میزان زیادی حامل کلبسیلا می باشند. طبق مطالعاتی که در سال ۱۹۷۱ صورت گرفته است، میزان حاملین کلبسیلا در بیماران بستری در حدود ۷۷٪ در مدفوع، ۱۹٪ در نازوفارنکس و ۴۲٪ بر روی دست های این بیماران مشاهده شد که ارتباط مستقیمی با مصرف آنتی بیوتیک ها داشته به طوری که درمان قبلی با آنتی بیوتیک، به میزان قابل توجهی در اکتساب کلبسیلا توسط بیماران تأثیر گزار بوده است (۴).

از نظر بالینی، سویه کلبسیلا پنومونیه بطور وسیعی در بیماران بستری در بیمارستانها، کلونیزه می گردد و در افرادی که دارای نقص سیستم ایمنی هستند مانند افراد دیابتی و یا بیماران با نقص ایمنی اکتسابی و افراد مسن و کودکان، بیشتر مشاهده می گردد (۵،۶). اپیدمیهای شدید کلبسیلابی معمولاً در نوزادان و عفونتهای اندمیک بیشتر در بخش بیماران کلیوی رخ می دهد. با اینکه پنومونی کلبسیلابی بخش کوچکی از موارد پنومونی را تشکیل می دهد ولی میزان مرگ و میر ناشی از آن بالا و حدود ۹۰٪ است (۷-۵). طبق گزارشات، عفونت دستگاه ادراری شایع ترین نوع عفونت بیمارستانی بوده، ۴۳-۲۳٪ کل عفونتهای بیمارستانی را شامل می شود و در بین باکتریهای گرم منفی دومین عامل عفونتهای ادراری پس از اشریشیاکلی، کلبسیلا می باشد. از طرفی آنتی بیوتیکهای  $\beta$ -لاکتام برای درمان این عفونتها از عوامل ضد میکروبی انتخابی هستند (۶،۷). تولید آنتی بیوتیکهای جدید و استفاده بی رویه از آنها در درمان بیماریهای باکتریایی باعث ایجاد مقاومتهای آنتی بیوتیکی با مکانیسمهای متفاوت گردیده است. از جمله این مکانیسمها تولید آنزیمهای بتالاکتامازی در باکتری هاست که از طریق هیدرولیز هسته مرکزی آنتی بیوتیک های بتالاکتام باعث

تعیین حساسیت و مقاومت آنتی بیوتیکی: به منظور تعیین حساسیت آنتی بیوتیکی، از روش دیسک دیفیوژن (Kirby-Bauer Disk Diffusion Method) بر روی محیط مولر هنتون آگار استفاده شد. دیسک های مورد استفاده از شرکت Mast و Rosco تهیه شد که شامل سفنی زوکسیم، سفکسیم، سفپییم، ایمپی پنم، جنتامیسین، آزترونام، کوتریماکسازول، سفوتاکسیم، سفنازیدیم، سپیروفلوکسازین و سفتریاکسون بود. نتایج تعیین حساسیت پس از انکوباسیون در ۳۷ درجه سانتیگراد به مدت ۲۴ ساعت با استفاده از جداول (Clinical and Laboratory Standard Institute) 2012 CLSI قرائت گردید.

تشخیص تولید ESBL تست تأیید فنوتیپی (Phenotypic Confirmatory Test): در این روش براساس استانداردهای CLSI، از دیسک های سفوتاکسیم ۳۰ μg و سفنازیدیم ۳۰ μg در ترکیب با کلولونیک اسید و بدون آن استفاده شد. چنانچه قطر هاله عدم رشد در پیرامون دیسک های ترکیبی (سفوتاکسیم/ کلولونیک یا سفنازیدیم/ کلولونیک) بیشتر یا مساوی ۵ میلی متر نسبت به قطر هاله عدم رشد در اطراف دیسک های سفوتاکسیم یا سفنازیدیم بود، تست فنوتیپی مثبت گزارش می گردید. دیسک های ترکیبی و خالص سفنازیدیم و سفوتاکسیم جهت بررسی تولید ESBL از شرکت Mast تهیه و بعد از کشت سفره ای بر روی محیط مولر هنتون آگار و انکوباسیون به مدت ۲۴ ساعت در ۳۷ درجه سانتیگراد نتیجه قرائت شد.

تعیین MIC با استفاده از نوار E-test: نوار E-test دو آنتی بیوتیک سفنازیدیم و ایمپی پنم جهت تعیین حداقل غلظت مهار کنندگی آنتی بیوتیک (Minimal inhibitor concentration; MIC) شرکت Liofilchem ایتالیا تهیه شد. این نوار پلاستیکی با شیب غلظتی آنتی بیوتیک پوشانده شده است. زمانی که این نوار روی سطح محیط کشت آگار که باکتری به صورت سفره ای کشت داده شده قرار می گیرد مانند روش دیسک دیفیوژن آگار، بلافاصله آنتی بیوتیک براساس شیب غلظتی شروع به انتشار روی پلیت کرده و پس از ۱۶-۲۴ ساعت هاله عدم رشد تخم مرغی شکلی در طول نوار تشکیل می شود، جایی که ابتدای بیضی نوار را قطع می کند MIC محسوب می شود.

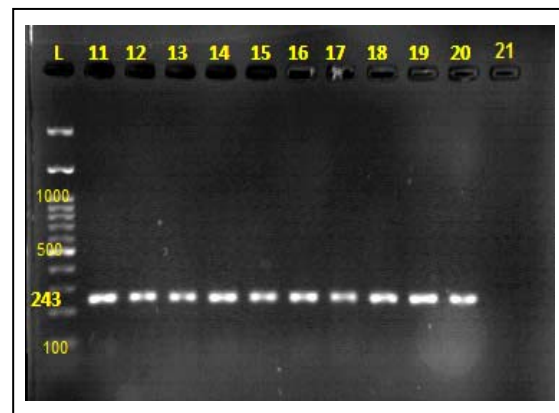
ژن Ure D با روش PCR در سویه های کلبسیلا پنومونیه شناسایی شد. پرایمر ژن مورد نظر از شرکت Bioneer که به صورت لیو فیلیزه خریداری شد که توالی آنها در زیر آورده شده است:

□ 3 - CCCGTTTTACCCGGAAGAAG - 5' Ure -D F

□ 3 - GGAAAGAAGATGGCATCCTGC - 5' Ure -D R

برای انجام واکنش PCR، مقادیر بهینه شده برای تهیه Master Mix یک واکنش PCR در حجم نهایی ۲۵ میکرولیتر محاسبه شد: بافر PCR با غلظت ۱/۵ به میزان ۲/۵ میکرولیتر، ۲ MgCl<sub>۲</sub> میلی مولار ۱/۵ میکرولیتر، dNTP mix ۰/۲ میلی مولار ۰/۵ میکرولیتر، هر کدام از پرایمرهای F و R با غلظت ۰/۵ پیکومول بر میکرولیتر به میزان ۰/۵ میکرولیتر، Taq polymeras ۵ واحدی در میکرولیتر به میزان ۰/۳ میکرولیتر و آب مقطر ۱۶/۲ میکرولیتر مورد استفاده قرار گرفت.

برنامه ریزی دستگاه ترموسایکلر به شرح زیر بود: دناتوراسیون اولیه در دمای C ۹۵ به مدت ۱۸۰ ثانیه، دناتوراسیون ثانویه در دمای C ۹۵ به مدت ۳۰ ثانیه، دمای آنلینگ C ۴۵ به مدت ۴۵ ثانیه و طویل شدن اولیه در دمای C ۷۲ به مدت ۶۰ ثانیه که این چرخه ها ۳۰ بار تکرار شد و طویل شدن ثانویه در دمای C ۷۲ به مدت ۶۰ ثانیه برای دستگاه ترموسایکلر تعریف شد. از ژل آگاروز ۲/۵٪ و سایز مارکر ۱۰۰ bp (Fermentas، آلمان) و سایبرسیف (سینازن، ایران) برای الکتروفورز محصولات PCR جهت شناسایی ژن Ure D با طول قطعه ۲۴۳ bp استفاده شد (شکل ۱). DNA کنترل مثبت از انستیتو پاستور خریداری گردید.



شکل ۱: تصویر PCR ژن داخلی Ure D

طول محصول PCR (Ure D) 243 bp می باشد

L: DNA ladder 100bp ; 11: Positive control  
12-20: sample ; 21: Negative control

مجموع ۵۶ سویه تولیدکننده آنزیم بتالاکتاماز، ۵۰ سویه (۸۹/۲۸٪) بطور مشترک با هر دو دیسک ترکیبی، ۲ سویه (۳/۵۷٪) از طریق دیسک ترکیبی سفنازیدیم و کلوانیک اسید و ۴ سویه (۷/۱۴٪) از طریق دیسک ترکیبی سفوتاکسیم و کلوانیک اسید بعنوان تولیدکننده آنزیم بتالاکتاماز مشخص شدند.

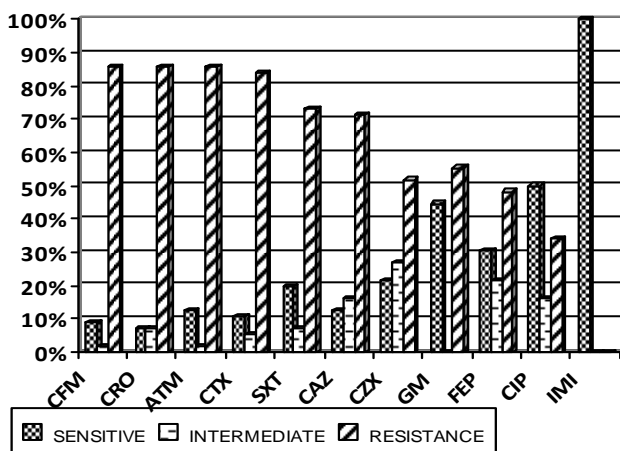
همانطور که جدول ۳ نشان می دهد، بیشتر سویه های تولیدکننده آنزیم بتالاکتاماز مربوط به نمونه های ادراری و از بخش های اطفال و ICU و در محدوده سنی ۱۰-۰ و ۹۰-۸۰ سال می باشند. و در ضمن از ۵۶ سویه، ۲۸ سویه (۵۰٪) مربوط به بیماران مذکر و ۲۸ سویه (۵۰٪) مربوط به بیماران مونث بودند.

**جدول ۳: فراوانی سویه های کلبسیلا پنومونیه بر اساس**

**نمونه های بالینی، محدوده سنی و بخشهای مختلف**

نوع نمونه	تعداد(درصد)	نام بخش	تعداد(درصد)	سن(سال)	تعداد(درصد)
ادرار	۳۱ (۵۵/۴)	آی سی یو	۱۰ (۱۷/۹)	۰-۱۰	۱۳ (۲۳/۳)
زخم	۱ (۱/۸)	سریانی	۲ (۳/۶)	۱۱-۲۰	۳ (۵/۴)
ترشحات ریوی	۳ (۵/۴)	سی سی یو	۶ (۱۰/۷)	۲۱-۳۰	۳ (۵/۴)
خون	۱۳ (۲۳/۲)	اطفال	۱۲ (۲۱/۴)	۳۱-۴۰	۳ (۵/۴)
مدفوع	۴ (۷/۱)	داخلی	۹ (۱۶/۱)	۴۱-۵۰	۶ (۱۰/۸)
ترشحات چشم	۱ (۱/۸)	اورولوژی	۵ (۸/۹)	۵۱-۶۰	۳ (۵/۴)
مایع پلورال	۵ (۵/۴)	نفروروی	۳ (۵/۴)	۶۱-۷۰	۷ (۱۲/۵)
		قلب	۹ (۱۶/۱)	۷۱-۸۰	۷ (۱۲/۵)
				۸۱-۹۰	۱۱ (۱۹/۶)
مجموع	۵۶(۱۰۰)		۵۶(۱۰۰)		۵۶(۱۰۰)

در شکل ۲ نتایج تست حساسیت آنتی بیوتیکی در سویه های ESBLs مثبت نشان داده شده است.



شکل ۲: الگوی مقاومت سویه های کلبسیلا پنومونیه تولیدکننده ESBLs

تجزیه و تحلیل داده ها: برای تجزیه و تحلیل داده های بدست آمده از نرم افزار SPSS نسخه ۱۹ و از آزمونهای فراوانی و مجذور کای استفاده شد.

**نتایج:**

در این مطالعه، ۱۲۰ سویه کلبسیلا پنومونیه از نمونه های کلینیکی جداسازی و مورد بررسی قرار گرفتند. از لحاظ جنسیت ۵۷ نمونه (۴۷/۵٪) از بیماران مذکر و ۶۳ نمونه (۵۲/۵٪) از بیماران مونث بودند. سایر نتایج به تفکیک نوع نمونه و محدوده سنی و بخش جدا شده در جدول ۱ آورده شده است.

**جدول ۱: فراوانی سویه های کلبسیلا پنومونیه بر اساس**

**نمونه های بالینی، محدوده سنی و بخشهای مختلف**

**بیمارستان های مورد مطالعه**

نوع نمونه	تعداد(درصد)	نام بخش	تعداد(درصد)	سن(سال)	تعداد(درصد)
ادرار	۷۲(۶۰)	آی سی یو	۱۹ (۱۵/۸)	۰-۱۰	۲۹ (۲۴/۲)
ترشحات چشم	۱ (۰/۸)	سی سی یو	۱۷ (۱۴/۲)	۱۱-۲۰	۳ (۲/۵)
زخم	۳ (۲/۵)	بیماران سریانی	۴ (۳/۳)	۲۱-۳۰	۸ (۶/۷)
تراشه	۹ (۷/۵)	داخلی	۱۸ (۱۵)	۳۱-۴۰	۷ (۵/۸)
خون	۲۵ (۲۰/۸)	قلب	۱۴ (۱۱/۷)	۴۱-۵۰	۱۱ (۹/۲)
مایع پلورال	۴ (۳/۳)	اورولوژی	۱۳ (۱۰/۸)	۵۱-۶۰	۷ (۵/۸)
مدفوع	۶ (۵)	نفروروی	۹ (۷/۵)	۶۱-۷۰	۱۲ (۱۰)
		اطفال	۲۶ (۲۱/۷)	۷۱-۸۰	۲۱ (۱۷/۵)
				۸۱-۹۰	۲۲ (۱۸/۳)
مجموع	۱۲۰(۱۰۰)		۱۲۰(۱۰۰)		۱۲۰(۱۰۰)

نتایج تست حساسیت آنتی بیوتیکی نشان می دهد که تمامی سوش های کلبسیلا پنومونیه نسبت به ایمی پنم حساس می باشند و بیشترین مقاومت نسبت به آنتی بیوتیک سفکسیم (۴۶/۷٪) می باشد (جدول ۲).

**جدول ۲: الگوی مقاومت آنتی بیوتیکی کل سویه های**

**کلبسیلا پنومونیه**

حساس(٪)	نیمه حساس(٪)	مقاوم(٪)	مجموع(٪)
۵۲/۵	۰/۸	۴۶/۷	۱۰۰
۵۲/۵	۴/۲	۴۳/۳	۱۰۰
۵۵	۱/۷	۴۳/۳	۱۰۰
۵۴/۲	۴/۲	۴۱/۷	۱۰۰
۵۵/۸	۳/۳	۴۰/۸	۱۰۰
۵۵	۸/۳	۳۶/۷	۱۰۰
۵۸/۳	۱۴/۲	۲۷/۵	۱۰۰
۷۱/۷	۱/۷	۲۶/۷	۱۰۰
۶۵	۱۰	۲۵	۱۰۰
۷۴/۲	۹/۲	۱۶/۷	۱۰۰
۱۰۰	۰	۰	۱۰۰

آزمون PCT با دیسکهای ترکیبی سفنازیدیم و سفوتاکسیم با کلوانیک اسید نشان داد که ۵۶ سویه (۴۶/۷٪) تولیدکننده آنزیم بتالاکتاماز وسیع الطیف می باشند. از

می رسد که میزان شیوع سویه‌های تولید کننده ESBLs در سویه های کلبسیلا پنومونیه در شهرستانهای بروجرد و همدان نیز تقریباً نزدیک به سطح جهانی بوده ولی از بعضی نقاط ایران کمتر است که احتمالاً بدلیل مصرف آنتی بیوتیکها توسط بیماران تحت نظر پزشک و انجام تستهای آنتی بیوگرام خصوصاً در مورد نمونه‌های ادراری قبل از مصرف آنتی بیوتیکها می باشد.

به نظر می‌رسد این آمار متفاوت در شیوع سویه‌های تولیدکننده ESBLs به این دلیل باشد که شیوع ارگانوسمهای مولد این آنزیم ها در مناطق مختلف بستگی به میزان شیوع آنها در حیوانات و ناقلین مدفوعی انسانی دارد که به عنوان مخازن این ارگانوسمها می‌باشند و می توانند از طریق تماس با این مخازن و یا زنجیره های غذایی از طریق حیوانات به دیگر انسانها منتقل شوند. همچنین می تواند بدلیل ظهور کلونیهای مقاوم باکتریایی و مولد بتالاکتامازهای وسیع الطیف در یک منطقه و الگوی درمانی سفالوسپورینی بخصوص سفالوسپورین‌های وسیع الطیف در درمان بیماری‌های گوناگون عفونی در مناطق مختلف باشد که منجر به ایجاد و افزایش سویه‌های باکتریایی تولید کننده بتالاکتاماز وسیع الطیف می گردند (۲۲،۲۳).

۵۵/۴٪ سوش های کلبسیلا پنومونیه جدا شده از نمونه‌های ادراری تولیدکننده ESBLs بودند. در حالی که در مطالعه عامر و همکاران در سال ۲۰۰۳ در حدود ۵۲٪ گزارش شده است (۲۴).

همچنین ۲۳/۲٪ سوش های ایزوله شده از خون مولد ESBLs بودند که نسبت به بررسی جارلیبر و همکاران در سال ۱۹۸۸ که ۱۸٪ سوش‌های جدا شده از خون را مولد ESBLs گزارش کرده بودند (۲۵) نشان دهنده افزایش آن در طی این دو دهه اخیر بوده است.

مصرف زیاد آنتی بیوتیک خصوصاً سفتازیدیم و سفوتاکسیم، بستری شدن به مدت طولانی در بخشهای مختلف از جمله داخلی و ICU و استفاده از ابزارهای پزشکی آلوده مانند کاتترهای وریدی و ادراری، تراشه‌های تنفسی، بنت‌های ICUT، دستگاه دیالیز و ... از عوامل مسبب بروز سوشهای ESBLs مثبت هستند (۲۶) و مطالعه حاضر نیز نشان می دهد که این فاکتورها می توانند از عوامل بروز سویه های تولید کننده ESBLs در سویه‌های کلبسیلا پنومونیه محسوب گردند.

سوش‌های باکتریایی تولیدکننده ESBLs، معمولاً

نتایج حداقل غلظت مهارکنندگی سویه های مقاوم و نیمه مقاوم و حساس به سفتازیدیم و ایمی پنم بطور خلاصه در جدول ۴ آورده شده است نتایج MIC نشان می‌دهد این مقدار برای سویه‌های حساس به ایمی پنم و سفتازیدیم اکثراً ۰/۱۳ تا ۰/۲۵ و برای سویه‌های نیمه مقاوم به سفتازیدیم ۶ تا ۱۶ و برای سویه‌های مقاوم به سفتازیدیم ۱۶ تا ۲۴ می باشد.

جدول ۴: فراوانی حداقل غلظت مهارکنندگی سویه های کلبسیلا پنومونیه نسبت به دو آنتی بیوتیک سفتازیدیم و ایمی پنم

غلظت MIC (µg/ml)	ایمی پنم	سف‌تازیدیم
وضعیت حساسیت	مقاوم	نیمه حساس
MIC (µg/ml)	≥ ۱۶	۵-۱۵
تعداد	۱۲۰	۴۰
(درصد)	(۱۰۰)	(۳۳/۳)
	-	۱۴-۱۷
	-	۱۶
	-	۶۴
	-	(۵۳/۴)

## بحث:

تولید ESBLs با ایجاد سویه‌های باکتریایی مقاوم به درمان به عنوان یک تهدید بزرگ برای مصرف سفالوسپورین‌های وسیع الطیف و درمان این نوع عفونتها به شمار می رود (۱۰،۱۱).

در این مطالعه تعداد ۵۶ سویه (۴۶/۷٪) ایزوله شده تولیدکننده ESBLs بودند که از این تعداد ۲۸ سویه از افراد مذکر (۵۰٪) و ۲۸ سویه از افراد مونث (۵۰٪) جدا شده بودند. در حالی که تحقیق احمد خورشیدی در سال ۱۳۸۸ نشان داد که ۳۲٪ سوش های کلبسیلا پنومونیه تولیدکننده ESBLs هستند و از این میان ۵۲/۵٪ بیماران مذکر و ۴۷/۵٪ مونث بودند (۱۲). که نشان دهنده آن است که در طی این چند سال میزان سویه‌های کلبسیلا پنومونیه تولیدکننده ESBLs رو به افزایش بوده و از لحاظ جنسیت تفاوت چندانی نکرده یا ندارد.

همچنین در طی سالهای گذشته نیز مطالعاتی در سراسر دنیا و از جمله ایران در این زمینه انجام گرفته است که درصد و شیوع سویه‌های تولید کننده ESBLs در سویه های کلبسیلا پنومونیه را این چنین گزارش کرده‌اند: در ژاپن ۴۰٪ (۱۳) آمریکا ۴۴٪ (۱۴) فرانسه ۳۰ تا ۴۰٪ (۱۵) جنوب شرقی آسیا ۲۰ تا ۶۰٪ (۱۶) هلند ۴۰٪ و سوئد ۳٪ (۱۷) در اصفهان ۷۰٪ (۱۸) تهران ۷۶٪ (۱۹) در سال ۱۳۸۷ در شهرکرد ۲۰/۲٪ (۲۰) و در سال ۱۳۸۶ در تهران ۳۸٪ (۲۱). با توجه به این گزارشات به نظر

**منابع:**

- Janda JM, Abbott SL. The enterobacteria. New York: Lippincott- Raven, 1998:110-30.
- Murray PR. Manual of clinical microbiology. 8th ed. Washington: ASM press, 2003.
- Umeh O. Klebsiella infection. Available from: <http://emedicine.com>. 2006; 27: 240-60.
- Selden R, Lee S. Nosocomial Klebsiella infection: Intestinal colonization as a reservoir. Ann Intern Med 1971;74:657-64.
- Feizabadi MM, Mohammadi-Yeganeh S, Mirsalehian A, Azimi P, Mirafshar SM, Mahboobi M, et al. Genetic characterization of ESBL-producing strains of Klebsiella pneumoniae from Tehran hospitals. J Infect Dev Ctries 2010; 4(10): 609-15.
- Shahcheraghi F, Moezi H. [Broad-spectrum beta-lactamase enzymes in K. pneumoniae strains isolated from clinical samples in Tehran hospitals]. Q Infect Dis Trop Med Assoc 2007; 39(12):60-57. (Persian)
- Babypadmini S, Appalaraju B. Extended spectrum  $\beta$ -lactamases in urinary isolated of Escherichia coli and Klebsiella pneumoniae prevalence and susceptibility pattern in tertiary care hospital. Indian J Med Microbiol 2004; 22(3): 44-48.
- Mészáros RJ. Extended-spectrum  $\beta$ -lactamase producing Enterobacteriaceae in different environments (humans, food, animal farms and sewage). J Antimicrob Chemother 2006; 58(1):211-5.
- Gniadkowski M, Schneider I, Jungwirth R, Hryniewicz W, Bauernfeind A. Ceftazidime resistance Enterobacteriaceae isolates from three Polish hospitals: Identification of three novel TEM and SHV-5 type extended-spectrum  $\beta$ -lactamase. Antimicrob Agents Chemother 1998; 42:514-20.
- Kliebe C, Nies JF, Meyer RM, Neutzling T, Wiedemann B. Evolution of plasmid-coded resistance to broad spectrum cephalosporins. Antimicrob Agents Chemother 1985;28:302-7.
- Knothe H, Shah P, Kremery V, Antal M, Mitsuhashi S. Transferable resistance to cefotaxime, cefoxitin, cefamandole and cefuroxime in clinical isolates of Klebsiella pneumoniae and Serratia marcescens. Infection 1983; 11:315-7.
- Khorshidi A, Moazen Z, Rohani M, Moniri R, Shajari Gh, Mousavi Gh. [Prevalence of TEM1 and SHV1 genes in Beta-Lactamase-producing Klebsiella pneumoniae]. J Military Med 2009; 11(3):149-53. (Persian)
- Hawkey PM. Prevalence and locality of extended spectrum B-lactamases in Asia. Clin Microbiol Infect 2008;14(Sup11):159-65.
- Patzer J, Dzierzanowska D, Pawinska A, Turner P. High activity of meropenem against gram-negative bacteria from a pediatric intensive care

سوش هایی با مقاومت چندگانه آنتی بیوتیکی هستند. کلبسیلا پنومونیه تولیدکننده ESBLs بیشتر به کاینولونها مقاومت دارد (۲۷،۲۸) در مطالعه اخیر نیز از ۵۶ نمونه تولیدکننده ESBLs، ۱۹ نمونه (۳۳/۹۲٪) علاوه بر سفنازیدیم به سپیروفلوکساسین نیز مقاومت داشتند. در مطالعه لوتن باخ ۱۵ نمونه از ۲۵ نمونه ESBLs مثبت یعنی ۶۰٪ به فلوروکاینولون ها نیز مقاوم بودند (۲۷) که این نشان می دهد سویه های تولید کننده ESBLs اکثرا سویه هایی با مقاومت چندگانه می باشند.

**نتیجه نهایی:**

شیوع بالای مقاومت آنتی بیوتیکی و تولید ESBLs در مناطق مورد مطالعه، نشان دهنده نیاز به غربالگری نمونه های کلینیکی از نظر ESBLs توسط آزمایشگاه و استفاده از آنتی بیوتیک های مناسب با قدرت ممانعت-کنندگی بتالاکتامازی و آنتی بیوتیک ها به صورت ترکیب با کلارولانیک توسط پزشکان می باشد. طی سالهای اخیر با افزایش سویه های مقاوم به آنتی بیوتیک ها مواجه هستیم که منجر به افزایش مشکلات درمانی و هزینه های درمانی میشود. آلودگی زدایی محیط و استریلیزاسیون صحیح محیط بیمارستانی، رعایت بهداشت توسط پرسنل بهداشتی - درمانی، الگوی صحیح برای مصرف آنتی بیوتیک ها، عدم خوددرمانی و یا درمان های ناقص با آنتی بیوتیک ها، محدود نمودن استفاده از سفالوسپورین های وسیع الطیف، استفاده از داروهای ترکیبی مانند یک داروی بتالاکتاماز با یک آمینوگلیکوزید یا کاینولون یا داروی مقاوم به بتالاکتاماز، آگاهی پزشکان در ارتباط با میزان مقاومت های آنتی بیوتیکی، از جمله راهکارهایی هستند که می توانند برای کنترل و پیشگیری از عفونت های ناشی از ارگانیزم های تولیدکننده ESBLs به کار گرفته شوند.

**سپاسگزاری:**

این مقاله برگرفته از پایان نامه کارشناسی ارشد میکروبیولوژی مصوب دانشگاه علوم پزشکی همدان میباشد و بدین وسیله از آقای دکتر محمدرضا عربستانی و پرسنل محترم آزمایشگاه میکروبیولوژی دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی همدان و بیمارستانهای شهرستان بروجرد و همدان بخصوص سرکار خانم روح انگیز افتخاری که ما را در انجام این تحقیق یاری نموده اند تشکر می نمایم.

- unit, 2001-2005. *Int J Antimicrob Agents* 2007; 29(3):285-8.
15. Sirot D, Goldstein F, Soussy C. Resistance to cefotaxime and seven other beta-lactamases in members of the family Enterobacteriaceae: A 3-year survey in France. *Antimicrob Agents Chemother* 1992; 36(8):1677-81.
  16. Pitout J. Multiresistant Enterobacteriaceae: New threat of an old problem. *Expert Rev Anti Infect Ther* 2008; 6(5):657-69.
  17. Canton R, Valverde A, Machado E, Peixe L, Baquero F. Prevalence and spread of extended-spectrum beta-lactamases producing Enterobacteriaceae in Europe. *Clin Microbiol Infect* 2008; 14(1):144-53.
  18. Jazi Msjdyan F, Valle F, Talebi A, Rstgarlary A. [Molecular evaluation of resistance to broad spectrum antibiotics in E.coli and Klebsiella pneumoniae]. *Iranian J Med Microbiol* 2007; 1(2):24-7. (Persian)
  19. Myrsalyhan A, Akbari Nakhjavani F, Pymani A, Jebelameli F, Myrafshar S, Hamidian M. [Evaluation of frequency of broad-spectrum beta-lactamase-producing Enterobacteriaceae in ICU]. *J Med Tehran Univ Med Sci* 2007; 65(1): 8-33. (Persian)
  20. Torshizi R, Zaman Zad B, Mokhtarian K, Karimi A. [Study frequency of prevalence of CTX-M genes in ESBL-producing intestinal bacteria by polymerase chain reaction method (PCR)]. *J Shahrekord Univ Med Sci* 2011; 13(3): 9-17. (Persian)
  21. Nasehi L, Shahcheraghi F, Sadat Nikbin V, Nematzadeh S. PER, CTX-M, TEM and SHV Beta-lactamases in clinical isolates of Klebsiella pneumoniae isolated from Tehran, Iran. *Iranian J Basic Med Sci* 2010; 13(3):111-18.
  22. Riano I, Moreno M, Teshager T, Senz Y, Domnguez L, Torres C. Detection and characterization of extended-spectrum beta-lactamases in Salmonella enterica strains of healthy food animals in Spain. *J Antimicrob Chemother* 2006; 58(4):844-7.
  23. Valverde A, Coque T, Sgnchez-Moreno M, Rollgn A, Baquero F, Cantn R. Dramatic increase in prevalence of fecal carriage of extended-spectrum beta-lactamase-producing Enterobacteriaceae during nonoutbreak situations in Spain. *J Clin Microbiol* 2004;42(10):4769-75.
  24. Aamer A, Fariha H, Safia A. Prevalance of extended -spectrum beta-lactamase in nosocomial and outpatient. *Pakistan J Med Sci* 2003; 9(3):187-91.
  25. Jarlier V, Nicolas M, Fournier G, Philippon A. Extended-spectrum beta-lactamase conferring transferable resistance to newer beta-lactam agents in Enterobacteriaceae :hospital prevalence and susceptibility patterns. *Rev Infect Dis* 1988; 10: 867-78.
  26. Lucet J, Chevert S, Vanjak D, Decre D, Macrez A, Wolff M. Outbreak of multiple resistance Enterobacteriaceae in an intensive care unit : Epidemiology and risk factor acquisition. *Clin Infect Dis* 1996; 22:430-6.
  27. Lautenbach E, Strom BL, Bilker WB, Patel JB, Edelstein PH, Fishmen NO. Epidemiological investigation of fluroquinolones resistance in infection due to extended -spectrum beta-lactamase -producing Escherichia coli and Klebsiella pneumoniae. *Clin Infect Dis* 2001; 33:1288-94.
  28. Paterson DL, Mulazimoglu L, Casellas JM, Ko WC, Goossens H A, Von Gottberg A, et al. Epidemiology of ciprofloxacin resistance and its relationship to extended -spectrum beta-lactamase production in klebsiella pneumoniae isolates causing bacteremia 2000. *Clin Infect Dis* 2000; 30:473-8.

## Original Article

## Study of Antibiotic Resistance Pattern and Phenotypic Detection of ESBLs in *Klebsiella Pneumoniae* Strains Isolated from Clinical Samples and Determination of Minimum Inhibitory Concentrations of Imipenem and Ceftazidim Antibiotics

R. Yousefi Mashouf, Ph.D.<sup>\*</sup> ; P. Alijani, M.Sc.<sup>\*\*</sup> ; M. Saidijam, Ph.D.<sup>\*\*\*</sup>  
M.Y. Alikhani, Ph.D.<sup>\*\*\*\*</sup> ; H. Rashidi, M.Sc.<sup>\*\*\*\*\*</sup>

Received: 18.6.2013 Accepted: 29.10.2013

### Abstract

**Introduction & Objective:** One of the mechanisms of antibiotic resistance in gram negative bacteria, particularly *Klebsiella pneumoniae* strains, is the production of Extended-Spectrum  $\beta$  lactamase enzymes (ESBLs). Encoding genes of ESBLs are usually located on the plasmid and they are able to transfer to other gram-negative bacteria. Thus, due to the importance of resistance pattern recognition and its sensitivity to the  $\beta$ - lactam antibiotics, the above mentioned issue was examined in this study.

**Materials & Methods:** In this study different clinical samples of Boroujerd and Hamadan Hospitals during 6 months were collected and identified by biochemical tests and Enterosystem kit. To confirm the strains, the *Ure D* gene was used as the internal gene of *Klebsiella pneumoniae* by PCR method. Antibiotic resistance by Disk diffusion method was performed. Phenotypic confirmatory test was used to determine the presence of ESBLs. MIC antibiotics of Ceftazidime and imipenem by E test method were determined.

**Results:** The results showed that the highest rate of *Klebsiella pneumoniae* strains resistance was related to Cefexime antibiotics 46.7%, Ceftriaxone 43.3%, Azthrunam 43.3%, Cefotaxime 41.7%, Cotrimaksazol 40.8% , Ceftazidim 36.7% and the least resistance was related to antibiotics Imipenem 0% Sprofluksasin 16.7%, Cefepime 25% and Gentamicin 26.7%. 56 strains( 46.7%) were identified as ESBL –positive strains. Using E-test strip for Ceftazidim antibiotic, 66 strains were resistant , 10 strains intermediate ,and 44 strains were sensitive to Ceftazidim and by E test method for Imipenem antibiotic ,120 strains were sensitive.

**Conclusion:** The high prevalence of antibiotic resistance and ESBLs production in the cities which were studied indicates the need for screening of ESBLs in clinical samples by laboratory and prescribing appropriate antibiotics with  $\beta$ -lactamase inhibitory power and antibiotics together with clavulanic by physicians.

(*Sci J Hamadan Univ Med Sci* 2014; 20 (4):295-302)

**Keywords:** Antibiotic Resistance / beta-Lactamases / *Klebsiella Pneumoniae*  
Minimal Inhibitor Concentration

-----  
<sup>\*</sup> Professor, Department of Microbiology, School of Medicine

Hamadan University of Medical Sciences & Health Services, Hamadan, Iran.

<sup>\*\*</sup> M.Sc. in Microbiology, Hamadan University of Medical Sciences & Health Services, Hamadan, Iran. (pegah\_57@yahoo.com)

<sup>\*\*\*</sup> Associate Professor, Department of Biotechnology, School of Medicine

Hamadan University of Medical Sciences & Health Services, Hamadan, Iran.

<sup>\*\*\*\*</sup> Associate Professor, Department of Microbiology, School of Medicine

Hamadan University of Medical Sciences & Health Services, Hamadan, Iran.

<sup>\*\*\*\*\*</sup> M.Sc. in Immunology, Shahed University, Tehran, Iran