

مقاله پژوهشی

بررسی پلی مورفیسم Msp1 ژن کلسترول استر ترانسفر پروتئین در بیماران هیپرکلسترولمی

دکتر تقی حسن زاده^{*}، عسگر برخورداری^{**}، دکتر مسعود سعیدی جم^{***}، امیر فتاحی^{*}، زینب لطیفی^{**}

دریافت: ۹۱/۱۱/۱ ، پذیرش: ۹۲/۲/۳۱

چکیده:

مقدمه و هدف: بین کلسترول و بیماری کرونری قلب (CHD) ارتباط معنی‌داری وجود دارد. کلسترول استر ترانسفر پروتئین (CETP) نقش مرکزی در متابولیسم لیپوپروتئین‌ها بازی می‌کند و نشان داده شده است که پلی‌مورفیسم‌های مختلف در ژن این آنزیم، فعالیت آن و پارامترهای لیپیدی خون را تحت تاثیر قرار می‌دهد. نظر به اینکه اطلاعات کافی در مورد توزیع ژنتیکی و تاثیرات پلی‌مورفیسم Msp1 بویژه در جمعیت ایرانی وجود ندارد بنابراین پلی‌مورفیسم CETP Msp1 و اثرات آن بر روی پارامترهای لیپیدی در افراد دارای هیپرکلسترولمی و افراد سالم مورد بررسی قرار گرفت.

روش کار: در این مطالعه مورد - شاهدی ۱۰۰ بیمار هیپرکلسترولمی و ۲۰۰ فرد سالم بعنوان جمعیت مورد مطالعه انتخاب شدند. پارامترهای لیپیدی و فعالیت CETP در نمونه‌ها اندازه گیری شدند. برای تعیین ژنتیکی پلی‌مورفیسم CETP از واکنش زنجیره ای پلیمراز (PCR) جهت تکثیر قطعه ژنی واحد تغییرات ژنتیکی و از تکنیک RFLP در حضور آنزیم Msp1 جهت تعیین ژنتیکی‌های مورد مربوطه استفاده شد.

نتایج: فراوانی آلل M_1 در بیماران هیپرکلسترولمی و در افراد سالم ۲۱/۲۵٪ بود. فراوانی ژنتیکی M_1M_1 در بیماران هیپرکلسترولمی در مقایسه با افراد سالم بیشتر بود. در افراد هیپرکلسترولمی با ژنتیکی M_1M_1 میزان TC و LDL-C بطور معنی‌داری بیشتر از سایر ژنتیکی‌ها بود و نیز افراد با ژنتیکی M_1M_1 دارای فعالیت بالایی از CETP بودند.

نتیجه‌نهایی: در کل نتایج بدست آمده نشان دهنده این است که پلی‌مورفیسم Msp1 می‌تواند بر الگوی لیپیدی و فعالیت CETP تأثیر گذار باشد.

کلید واژه‌ها: افزایش کلسترول خون / پلی مورفیسم / کلسترول استر ترانسفر پروتئین

(۱،۳). ثابت شده است که ارتباط معنی‌داری بین کلسترول و بیماری کرونری قلب وجود دارد(۴). کلسترول در فراکسیون‌های لیپوپروتئینی مختلف از جمله لیپوپروتئین با چگالی پایین (LDL) Low density lipoprotein و (HDL) High density lipoprotein با چگالی بالا HDL می‌شود. کاهش کلسترول تام و LDL موجب کاهش خطر بروز CHD می‌شود(۵) و بالا بودن غلظت کلسترول-HDL، خطر بروز CHD را کاهش می‌دهد(۶). موجب انتقال کلسترول از سلولها به کبد می‌شود که این

مقدمه :

میزان مرگ و میر ناشی از بیماری کرونری قلب (Coronary Heart Disease; CHD) در سرتاسر جهان تقریباً دو برابر سرطان و ۱۰ برابر تصادفات است(۱،۲). علت اولیه CHD، آترواسکلروزه شدن عروق کرونری در اثر ضایعات حاوی چربی در پوشش داخلی سرخرگ‌های کرونری می‌باشد. هیپرلیپیدمی علت اصلی آترواسکلروز و اختلالات مرتبط با آن مانند بیماری کرونری قلب، بیماری ایسکمیک عروق مغزی و بیماری عروق محیطی، می‌باشد

* استادیار گروه بیوشیمی دانشگاه علوم پزشکی دانشگاه علوم پزشکی همدان
** کارشناسی ارشد بیوشیمی دانشگاه علوم پزشکی همدان (zeinablatifi@yahoo.com)
*** دانشیار گروه پزشکی مولکولی و ژنتیک دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی همدان

در مطالعه‌ای که روی جمعیت ایرانی انجام گرفته، نتایج حاکی از کمتر بودن فراوانی ژنوتیپ Taq1B B2B2 در بیماران هیپرکلسترولمی در مقایسه با افراد سالم است(۲۹). تعدادی از مطالعات نیز به بررسی فراوانی پلی‌مورفیسم‌های دیگر از جمله Eco 629C/A و N1 در گروههای مختلف پرداخته‌اند و وجود ارتباط مابین این پلی‌مورفیسم‌ها و غلظت پلاسمایی لیپیدها و لیپوپروتئین‌ها را گزارش کرده‌اند(۳۲-۳۷).

پلی‌مورفیسم Msp1 در ناحیه غیرکدکننده در اینtron ۸ ژن CETP در اثر تغییر A به G رخ می‌دهد وجود ارتباطی قوی بین این پلی‌مورفیسم و غلظت پلاسمایی HDL-C در جمعیت هلندی گزارش شده است(۳۰). در مطالعه‌ای که روی جمعیت ترکها انجام شده، وجود ارتباط بین پارامترهای لیپیدی با این پلی‌مورفیسم گزارش شده است(۳۳) ولی وو و همکارانش هیچ ارتباطی بین پلی‌مورفیسم MSP1 و غلظت پلاسمایی HDL-C مشاهده نکرند(۳۷).

با توجه به نتایج متناقض حاصل از این مطالعات و عدم دسترسی به اطلاعات کافی در مورد پلی‌مورفیسم MSP1 در جمعیت ایرانی، مقرر گردید تا پلی‌مورفیسم CETP Msp1 و اثرات آن بر روی پارامترهای لیپیدی در افراد دارای هیپرکلسترولمی و افراد سالم مورد بررسی قرار گیرد.

روش کار:

در این مطالعه مورد/شاهدی، ۱۰۰ بیمار هیپرکلسترولمی که کلسترول تام آنها بیش از ۲۵۰ mg/dl بود، بررسی گردیدند و ۲۰۰ فرد سالم بدون هیچ نوع سابقه بیماری که دارای پروفایل لیپیدی طبیعی بودند به عنوان گروه کنترل انتخاب شدند. این افراد از نظر سن و جنس با گروه بیمار مشابه بودند. لازم به ذکر است که ملاحظات اخلاقی در این مطالعه رعایت شده و به تأیید کمیته اخلاق دانشگاه علوم پزشکی و خدمات بهداشتی درمانی همدان رسیده است. در این مطالعه از انتخاب افرادی که مبتلا به دیابت، فشار خون بالا، بیماری‌های کبدی، کلیوی و تیروئیدی بودند اجتناب گردید. علاوه بر این زنان باردار و افراد مصرف کننده داروهای کاهنده چربی خون از این مطالعه خارج شدند. از هر فرد پس از ناشتا شبانه، ۱۰ میلی لیتر خون سیاهرگی گرفته شد که بخشی از آن برای استخراج DNA و بخشی برای اندازه گیری پارامترهای

عمل با همکاری کلستریل استر ترانسفر پروتئین Cholesteryl Ester Transfer Protein (CETP) صورت می‌پذیرد(۷).

CETP نوعی گلیکوپروتئین آبدوست می‌باشد که نقش مهمی در فرآیند انتقال معکوس کلسترول Reverse cholesterol transportation دارد. در نتیجه این فرآیند کلسترول از بافت‌های محیطی به کبد منتقل می‌شود(۸،۹). CETP از طریق تبادل استرهای کلسترول با تری‌گلیسریرید، مابین ذرات HDL با LDL و VLDL نقش مرکزی را در مکانیسم لیپوپروتئین‌ها بازی می‌کند(۱۰-۱۲). بررسی‌های انجام شده نشان داده‌اند که بیماران دارای نقص ژنتیکی در ژن CETP دارای مقادیر بالاتری از HDL-C می‌باشند(۱۳) همچنین مشخص شده است که مهار CETP سبب افزایش غلظت HDL-C می‌شود(۱۴) بنابراین فعالیت بالای CETP از طریق کاهش سطح HDL/TC(Total cholesterol) می‌تواند به عنوان عامل ایجادکننده آترواسکلروز و بیماری کرونر قلب مطرح باشد(۱۵،۱۶).

ژن CETP در انسان بر روی کروموزوم ۱۶ (16q12-16q21) در نزدیکی ژنهای Lستین کلسترول آسیل ترانسفراز Cholestrylycithin acyl transferase (LCAT) و هاپتوگلوبولین قرار دارد. این ژن بیش از ۲۵ کیلو جفت باز دارد و حاوی ۱۶ اگزون و ۱۵ اینtron می‌باشد. CETP انسانی نوعی گلیکوپروتئین پلاسمایی هیدروفوب با وزن مولکولی ۷۴ کیلو دالتون و حاوی ۴۷۶ اسید آمینه است(۱۷،۱۸) این ژن چه در تووالی‌های کد-کننده و چه غیر کدکننده، دارای مکانهای فراوان پلی‌مورفیسم می‌باشد(۱۹) برخی از پلی‌مورفیسم‌های شایع در این ژن عبارتند از: Eco N1, I405V, R451Q, -629C/A, StuI, Taq 1A, -971 G/A, Msp1 (۱۸،۲۰،۲۱) که برخی از آنها سبب تغییر در فعالیت CETP و غلظت HDL-C می‌شوند(۲۲). مطالعات متعددی در زمینه شیوع این پلی‌مورفیسم‌ها و اثراشنان بر روی غلظت لیپیدهای پلاسمما در جمعیت‌های مختلف انجام گرفته که برخی از آنها روی افراد ایرانی بوده است (۲۳-۲۶). بررسی پلی‌مورفیسم Taq1B نشان دهنده وجود ارتباط معنی‌دار بین این پلی‌مورفیسم با مقادیر لیپیدهای پلاسمما است(۲۷-۳۰) بطوریکه فراوانی ژنوتیپ Taq1B در بیماران قلبی بیشتر می‌باشد(۲۷).

RFLP از ژل آگارز و رنگ آبیزی اتیدیوم بروماید استفاده شد. قطعات مربوط به پلی‌مورفیسم Msp1 در آگاروز ۱٪ کتروفورز شدن و با UV Transilluminator مشاهده و بررسی شدند. عدم وجود جایگاه برش در قطعه PCR شده نشان دهنده آلل M_2 (A) می‌باشد و شکسته شدن قطعه به دو بخش ۴۵۸ و ۱۱۵۰ جفت بازی نشان دهنده آلل M_2 (G) است.

آنالیز آماری: اطلاعات کمی به صورت میانگین \pm انحراف معیار ارائه گردیده است. برای تحلیل داده‌ها از نرم‌افزار SPSS16 استفاده شد. برای مقایسه پارامترهای پلاسمایی خون از آزمون t مستقل و برای مقایسه فراوانی آله‌ها و ژنتیپها بین بیماران و گروه شاهد از آزمون مجذور کای استفاده شد. مقایسه میانگین غلظت لیپیدها و فعالیت CETP در میان ژنتیپ‌های مختلف توسط آنالیز واریانس یک طرفه (ANOVA) انجام گرفت. $P<0.05$ اختلاف معنی‌دار منظور گردید.

نتایج:

مقایسه خصوصیات بالینی و بیوشیمیایی دو گروه کنترل و بیماران هیپرکلسترولمی نشان داد دو گروه از نظر شاخص توده بدنی (BMI) و سن اختلاف معنی‌داری با یکدیگر ندارند ولی کلسترول تام، LDL-C و HDL-C در گروه هیپرکلسترولمی بطور معنی‌داری بالاتر است ($P<0.001$) (جدول ۱).

جدول ۱: الگوی لیپیدی و دموگرافیک گروه کنترل و گروه هیپرکلسترولمی

ارزش P	کنترل		سن (سال)
	MSP1 (N=۱۰۰)	MSP1 (N=۲۰۰)	
NS	۵۲/۱ \pm ۱۱/۸	۴۹/۴ \pm ۱۲/۹	
NS	۲۵/۹ \pm ۵/۷	۲۵/۵ \pm ۵/۹	(kg/m ²)
۰/۰۱	۲۶۹/۷ \pm ۱۹/۴	۱۸۴/۸ \pm ۳۱/۵	(mg/dl)
NS	۱۴۳/۳ \pm ۵۸/۷	۱۳۱/۱ \pm ۵۱/۱	(mg/dl)
۰/۰۱	۴۷/۶ \pm ۱۲/۹	۵۳/۶ \pm ۱۰/۹	(mg/dl) HDL-C
۰/۰۱	۱۶۹/۶ \pm ۴۰/۴	۱۰۴/۶ \pm ۲۵/۹	(mg/dl) LDL-C
۰/۰۱	۱۴۱/۸ \pm ۲۱/۴	۱۰۷/۳ \pm ۱۹	(pmol/ μ l.h) CETP فعالیت

تمام داده‌ها بصورت میانگین \pm انحراف معیار ارائه شده‌اند.

فراوانی آلل M_1 در بیماران هیپرکلسترولمی ۰/۲۷٪ و در افراد سالم ۰/۲۵٪ می‌باشد که نشان دهنده اختلاف معنی‌دار بین دو گروه است ($P<0.05$). نتایج حاکی از بیشتر بودن فراوانی ژنتیپ M_1M_1 در بیماران

بیوشیمیایی استفاده گردید. اندازه‌گیری پارامترهای بیوشیمیایی: نمونه‌های خون بمدت ۱۵ دقیقه با سرعت $2000 \times g$ سانتریفیوژ شدن و سرم حاصل جهت اندازه‌گیری پارامترهای بیوشیمیایی شامل کلسترول تام، LDL-C و HDL-C استفاده گردید. از کیت‌های شرکت پارس آزمون ساخت ایران، با بهره‌گیری از روش اسپکتروفوتومتری Visible-UV برای اندازه‌گیری میزان کلسترول تام، LDL-C و HDL-C استفاده شد. کیت اندازه‌گیری فعالیت CETP (کیت کمپانی Roar Biomedical، ساخت کشور آمریکا) برای سنجش فعالیت CETP استفاده گردید. اساس این روش اندازه‌گیری افزایش شدت فلورنسنس همزمان با انتقال لیپیدهای خنثی فلورسنت از دهنده به گیرنده می‌باشد و نمونه‌ها توسط اسپکترومتر فلورسنس در طول موج‌های ۴۶۵ و ۵۳۵ نانومتر (Excitation) و ۴۶۵ نانومتر (Emission) خوانده می‌شوند.

استخراج DNA و بررسی ژنتیپ‌های پلی‌مورفیسم Msp1: برای استخراج DNA از دو میلی‌لیتر خون تام که داخل لوله حاوی EDTA ریخته شده بود استفاده گردید. برای این کار از کیت سیناژن (ساخت کشور ایران) استفاده شد. یک قطعه ۱۶۰۸ جفت بازی با استفاده از پرایمرهای مربوط با روش PCR با شرایط زیر تکثیر گردید: ۰/۴ میکرومول از هر پرایمر، ۰/۰ میلی مول dNTP Mix، ۱/۵ میلی مول $MgCl_2$ ، ۲ میکرولیتر از PCR Buffer، ۰/۵ واحد ۱۰X Taq Polymerase، ۰/۰۵ میکرومول از ۱۰۰-۲۰۰ میکرومول از ۹۴ درجه سانتیگراد به مدت ۵ دقیقه بعنوان دمای ذوب اولیه سپس ۳۰ سیکل بصورت: ۴۵ ثانیه در ۹۴ درجه بعنوان دمای ذوب، ۴۵ ثانیه در ۶۰ درجه جهت اتصال، ۹۰ ثانیه در ۷۲ درجه و در نهایت ۱۰ دقیقه در دمای ۷۵ درجه. پرایمرهای (R) و (F) مورد استفاده جهت تکثیر قطعه DNA دارای پلی‌مورفیسم Msp1 عبارت بود از: ۵'-cag atg gag aca ttg ggg tgg aca-3' Msp1 F.: 5'-cac caa gtt tcc gag ttt cct ccc-3' Msp1 R.: 5'-cac caa gtt tcc gag ttt cct ccc-3'

برای تعیین ژنتیپ‌های پلی‌مورفیسم Msp1 میکرولیتر از محصول PCR همراه ۱۰ واحد آنزیم Msp1، ۵ میکرولیتر از بافر مربوطه و ۱۰ میکرولیتر آب عاری از نوکلئاز به مدت ۲ ساعت در دمای ۳۷ درجه سانتیگراد انکوبه شد. برای الکتروفورز محصولات PCR و قطعات

در افراد هیپرکلسترولمی با ژنوتیپ M_1M_1 , میزان TC و LDL-C بطور معنی داری بیشتر از سایر ژنوتیپ‌ها بود ($P<0.05$) و نیز تفاوت معنی داری در غلظت HDL-C بین ژنوتیپ‌های M_1M_1 و M_2M_2 دیده شد. در افراد سالم با ژنوتیپ M_1M_1 , غلظت HDL-C بصورت معنی داری کمتر از سایر ژنوتیپ‌ها بود ($P<0.05$) (جدول ۳).

جدول ۳: الگوی لیپیدی و فعالیت CETP در ژنوتیپهای مختلف در افراد سالم

M_2M_2 (N=۱۲۶)	M_1M_2 (N=۶۳)	M_1M_1 (N=۱۱)	سن (سال) * **
$۵۳\pm۹/۳$	۵۱ ± ۷	$۴۸\pm۱۱/۵$	کلسترول تام (mg/dl)
$۱۸۳\pm۲۰/۵$	$۱۸۵/۶\pm۲۳/۴$	$۱۸۷/۲\pm۲۳/۸$	تری گلیسرید (mg/dl)
$۱۲۹\pm۵۱/۲$	$۱۳۱/۸\pm۶۸/۵$	$۱۳۵/۸\pm۹۱/۲$	HDL-C (mg/dl)
$۵۳/۱\pm۹/۶$	$۵۴/۶\pm۹/۷$	$۴۶/۸\pm۱۲/۴$	LDL-C (mg/dl)
$۱۰.۴/۱\pm۱۳/۵$	$۱۰.۳/۲\pm۱۸/۱$	$۱۰.۲/۳\pm۲۱/۴$	CETP (pmol/µl.h)
$۱۰.۳/۵\pm۱۳$	$۱۰.۲/۲\pm۱۴$	$۱۱۲/۳\pm۱۷$	فعالیت CETP (**mg/dl)

تمام داده‌ها بصورت میانگین \pm انحراف معیار ارائه شده‌اند.

* اختلاف معنی داری بین ژنوتیپ‌های مختلف وجود ندارد.

. M_2M_2 ، ژنوتیپ M_1M_1 با ژنوتیپهای M_1M_2 و

. M_2M_2 ، ژنوتیپ M_1M_1 با ژنوتیپ M_1M_2 P<0.05 +

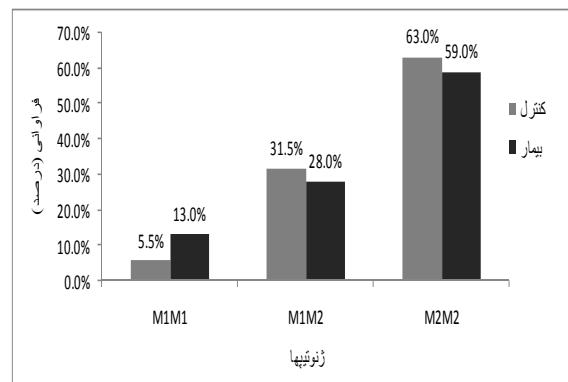
از لحاظ آماری فعالیت CETP در بیماران هیپرکلسترولمی با ژنوتیپ‌های مختلف در مقایسه با افراد سالم بیشتر بود ($P<0.001$) و نیز افراد با ژنوتیپ M_1M_1 دارای فعالیت بالایی از CETP نسبت به افراد با ژنوتیپ‌های دیگر بودند.

بحث:

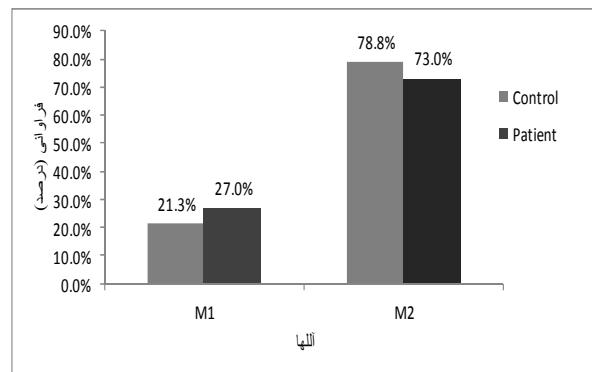
بیماری هیپرکلسترولمی با میزان بالای کلسترول پلاسمایی تشخیص داده می‌شود و می‌تواند به عنوان عامل ایجاد‌کننده بیماری‌های قلبی مطرح باشد. CETP نقش مهمی در متابولیسم لیپیدهای CETP و اثرات آنها را روی پارامترهای لیپیدی پلاسما بررسی نموده‌اند (۲۲، ۲۷، ۳۳).

در این مطالعه، تاثیرات پلی‌مورفیسم CETP/Msp1 بر لیپیدهای پلاسمایی در افراد مبتلا به هیپرکلسترولمی و نیز افراد سالم مورد بررسی قرار گرفت. و و همکاران اختلاف معنی داری در فراوانی آلل‌ها و ژنوتیپ‌ها بین بیماران CHD و افراد سالم در جمعیت تایوان مشاهده نکردند (۲۷) در حالیکه نتایج مطالعه حاضر نشان دادند که فراوانی ژنوتیپ M_1M_1 در افراد مبتلا به هیپرکلسترولمی بیشتر از

هیپرکلسترولمی در مقایسه با افراد سالم بود ($P<0.05$)، (نمودار ۱ و ۲).



نمودار ۱: فراوانی ژنوتیپ‌های پلی مورفیسم CETP/Msp1 در افراد سالم و هیپرکلسترولمی



نمودار ۲: فراوانی آلل‌های پلی مورفیسم CETP/Msp1 در افراد سالم و هیپرکلسترولمی

پارامترهای لیپیدی سرم و فعالیت CETP در بیماران هیپرکلسترولمی در ژنوتیپ‌های مختلف در جدول ۲ نمایش داده شده‌اند.

جدول ۲: الگوی لیپیدی و فعالیت CETP در ژنوتیپ‌های مختلف در افراد هیپرکلسترولمی

M_2M_2 (N=۵۹)	M_1M_2 (N=۲۸)	M_1M_1 (N=۱۳)	سن (سال) * ** †
$۵۲/۵\pm۷/۶$	$۵۱/۸\pm۱۳/۹$	$۵۸/۵\pm۳/۶$	کلسترول تام (mg/dl)
$۲۶۲/۳\pm۶/۵$	$۲۶۳/۱\pm۱۸/۹$	$۲۷۸/۷\pm۲۱/۵$	تری گلیسرید (mg/dl)
$۱۳۹/۵\pm۳۲/۹$	$۱۴۲\pm۷۷/۴$	$۱۵۵/۳\pm۶۰/۹$	HDL-C (mg/dl)
۵۱ ± ۱۳	$۴۷/۲\pm۱۱/۴$	$۴۲/۳\pm۱۴/۵$	LDL-C (mg/dl)
$۱۵۴/۵\pm۱۷/۱$	$۱۵۶/۷\pm۱۶/۴$	$۱۷۰/۱\pm۲۴/۲$	CETP (pmol/µl.h)
$۱۳۶/۵\pm۱۷/۱$	$۱۳۷/۷\pm۲۱/۴$	$۱۵۳/۱\pm۲۴/۲$	فعالیت CETP (**pmol/µl.h)

تمام داده‌ها بصورت میانگین \pm انحراف معیار ارائه شده‌اند.

* اختلاف معنی داری بین ژنوتیپ‌های مختلف وجود ندارد.

. M_2M_2 ، ژنوتیپ M_1M_1 با ژنوتیپهای M_1M_2 و

. M_2M_2 ، ژنوتیپ M_1M_1 با ژنوتیپ M_1M_2 P<0.05 +

سپاسگزاری:

این مقاله حاصل بخشی از طرح تحقیقاتی مصوب دانشگاه علوم پزشکی همدان در سال ۱۳۸۷ به کد ۱۶/۳۵/۶۷۵۴۹ اپ می‌باشد که با حمایت مالی معاونت پژوهشی دانشگاه اجرا شده است، نویسنده‌گان مقاله مراتب تقدیر و تشکر خود را از این نهاد اعلام می‌دارند.

منابع :

- Murray CJ, Lopez AD. Alternative projections of mortality and disability by cause 1990-2020: Global Burden of Disease Study. Lancet 1997; 349(9064):1498-504.
- Rosamond W, Chambliss L, Folsom A, Cooper L, Conwill D, Clegg L, et al. Trends in the incidence of myocardial infarction and in mortality due to coronary heart disease. New Eng J Med 1998;339:861-7.
- Kromhout D. Epidemiology of cardiovascular diseases in Europe. Public Health Nutr 2001; 4: 441-57.
- Castelli WP, Garrison RJ, Wilson PW, Abbott RD, Kalousdian S, Kannel WB. Incidence of coronary heart disease and lipoprotein cholesterol levels. The Framingham Study. JAMA 1986; 256(20):2835-8.
- Stamler J, Dyer A, Shekelle R, Neaton J, Stamler R. Relationship of baseline major risk factors to coronary and all-cause mortality, and to longevity: findings from long-term follow-up of Chicago cohorts. Cardiology 1993;82:191-222.
- Assmann G, Schulte H, von Eckardstein A. Hypertriglyceridemia and elevated lipoprotein(a) are risk factors for major coronary events in middle-aged men. Am J Cardiol 1996;77:1179-84.
- Barter PJ, Nicholls S, Rye KA, Anantharamaiah GM, Navab M, Fogelman AM. Antiinflammatory properties of HDL. Circ Res 2004; 95(8): 764-72.
- Tall A. Plasma cholestryl ester transfer protein. J Lipid Res 1993;34(8):1255-74.
- de Groot GJ, Klerkx AHEM, Stroes ESG, Stalenhoef AFH, Kastelein JJP, Kuivenhoven JA. review of CETP and its relation to atherosclerosis. J Lipid Res 2004;45(11):1967-74.
- Groener J, Pelton R, Kostner G. Improved estimation of cholestryl ester transfer/exchange activity in serum or plasma. Clin Chem 1986; 32 (2):283-6.
- Bruce C, Tall AR. Cholestryl ester transfer proteins, reverse cholesterol transport , and atherosclerosis.Curr Opin Lipidol 1995;6(5):306.
- Ruggeri RB. Cholestryl ester transfer protein: Pharmacological inhibition for the modulation of plasma cholesterol levels and promising target for the prevention of atherosclerosis. Curr Topic Med Chem 2005;5(3):257-64.
- Inazu A, Brown ML, Hesler CB, Agellon LB,

افراد سالم است که این تایید کننده نتایج مطالعه‌ای است که بر روی جمعیت ترک انجام یافته بود (۳۳). نتایج این مطالعه نشان دادند که در افراد هیپرکلسترولمی با ژنوتیپ M_1M_1 , میزان TC و LDL-C بطور معنی‌داری بیشتر از سایر ژنوتیپ‌ها می‌باشد، در مطالعه‌ای که روی افراد مبتلا به CAD انجام گرفته بود نیز چنین ارتباطی گزارش شده است (۳۳). مطالعات نشان داده‌اند که در افراد دارای ژنوتیپ M_1M_1 از HDL-C غلظت بطور معنی‌داری کمتر از افراد دارای ژنوتیپ‌های دیگر است (۳۳) نتایج ما نیز نشان دادند در بیماران با ژنوتیپ M_1M_1 غلظت HDL-C از لحاظ آماری کمتر از افراد با ژنوتیپ M_2M_2 است ولی غلظت HDL-C بین افراد هیپرکلسترولمی با ژنوتیپ‌های M_1M_1 و M_1M_2 اختلاف معنی‌داری نداشت که نشان دهنده وجود همبستگی منفی بین آلل M_1 و غلظت-HDL-C است. ایسبیر و همکارانش ارتباط مشتی را بین آلل M_2 و میزان HDL-C در افراد سالم مشاهده نمودند (۳۳) ولی نتایج ما چنین ارتباطی را نشان نداد.

در مطالعه حاضر در افراد دارای ژنوتیپ M_1M_1 فعالیت CETP بطور معنی‌داری بیشتر از افراد دیگر بود که نشان دهنده وجود همبستگی مشتی بین آلل M_1 و M_2 فعالیت CETP است. کیونهون در مطالعه خود به نتیجه مشابهی دست پیدا کرده‌است و علت این افزایش فعالیت را افزایش در غلظت CETP بیان نموده است (۲۰). این احتمال وجود دارد که آلل M_1 بر روی میزان بیان CETP تاثیر داشته باشد. با افزایش فعالیت CETP، میزان انتقال استرکلسترول از LDL به HDL بیشتر می‌شود که این امر منجر به افزایش غلظت-C و کاهش HDL می‌شود. علاوه بر این ممکن است پلی‌مورفیسم Msp1 روی بیان ژن‌های موجود در نزدیکی ژن CETP تاثیر گذار باشد (۲۰). یکی از این ژنها، ژن مریوط به آنزیم لسیتین کلسترول lecithin cholesterol acyltransferase (LCAT) می‌باشد که خود در آسیله کردن کلسترول (LCAT) می‌باشد. در میزان این آنزیم می‌تواند بر غلظت لیپوپروتئین‌ها جهت ذخیره آن در ذرات HDL دخیل است و هرگونه تغییر در میزان این آنزیم می‌تواند بر غلظت لیپوپروتئین‌ها بویژه HDL-C تاثیر گذار باشد.

نتیجه نهایی:

در کل نتایج بدست آمده از این مطالعه نشان دهنده آن است که، پلی‌مورفیسم Msp1 می‌تواند بر الگوی لیپیدی و فعالیت CETP تاثیر گذار باشد.

- Koizumi J, Takata K, et al. Increased high-density lipoprotein levels caused by a common cholesteryl-ester transfer protein gene mutation. *New Eng J Med* 1990;323(18):1234-8.
14. Van der Steeg W, Kuivenhoven J, Klerkx A, Boekholdt S, Hovingh G, Kastelein J. Role of CETP inhibitors in the treatment of dyslipidemia. *Curr Opin Lipidol* 2004;15(6):631-6.
15. Papp AC, Pinsonneault JK, Wang D, Newman LC, Gong Y, Johnson JA, et al. Cholesteryl ester transfer protein(CETP) polymorphisms affect mRNA splicing, HDL levels, and sex-dependent cardiovascular risk. *PloS one* 2012;7(3):e31930.
16. Nagano M, Yamashita S, Hirano K, Takano M, Maruyama T, Ishihara M, et al. Molecular mechanisms of cholesteryl ester transfer protein deficiency in Japanese. *J Atheroscler Thromb* 2004;11(3):110.
17. Agellon LB, Quinet EM, Gillette TG, Drayna DT, Brown ML, Tall AR. Organization of the human cholesteryl ester transfer protein gene. *Biochemistry* 1990;29(6):1372-6.
18. Drayna D, Jarnagin AS, McLean J, Henzel W, Kohr W, Fielding C, et al. Cloning and sequencing of human cholesteryl ester transfer protein cDNA. *Nature* 1987;327(6123):632-4.
19. Funke H, Wiebusch H, Fuer L, Muntoni S, Schulte H, Assmann G. Identification of mutations in the cholesteryl ester transfer protein in Europeans with elevated high density lipoprotein cholesterol. *Circulation* 1994;90(2):241.
20. Kuivenhoven JA, de Knijff P, Boer JMA, Smalleheer HA, Botma GJ, Seidell JC, et al. Heterogeneity at the CETP gene locus Influence on plasma CETP concentrations and HDL cholesterol levels. *Arterioscler Thromb Vasc Biol* 1997; 17(3):560-8.
21. Fumeron F, Betoule D, Luc G, Behague I, Richard S, Poirier O, et al. Alcohol intake modulates the effect of a polymorphism of the cholesteryl ester transfer protein gene on plasma high density lipoprotein and the risk of myocardial infarction. *J Clin Invest* 1995;96(3):1664.
22. Blankenberg S, Rupprecht HJ, Bickel C, Jiang XC, Poirier O, Lackner KJ, et al. Common genetic variation of the cholesteryl ester transfer protein gene strongly predicts future cardiovascular death in patients with coronary artery disease. *J Am College Cardiol* 2003;41(11):1983-9.
23. Hassanzadeh T, Barkhordari A. [Association of -971 G/A cholesteryl-ester transfer protein gene polymorphism with lipid profile in primary hyperlipidemia]. *Tehran Univ Med J* 2012;393-401 70(7) (Persian).
24. Farid MAK, Azizi F, Hedayati M, Daneshpour MS, Shamshiri AR, Siassi F. Association between CETP Taq1B and LIPC-514C/T polymorphisms with the serum lipid levels in a group of Tehran's population: a cross sectional study. *Lipids Health Dis* 2010;9:96.
25. Akbarzadeh M, Hassanzadeh T, Saidijam M, Esmaeili R, Borzouei S, Hajilooi M, et al. Cholesteryl ester transfer protein (CETP)- 629C/A polymorphism and its effects on the serum lipid levels in metabolic syndrome patients. *Molecular Biol Rep* 2012;1-6.
26. Barkhordari A, Hassanzadeh T, Saidijam M, Paoli M. [Association between cholesteryl ester transfer protein D442G polymorphism on serum lipid levels and CETP activity in hypercholesterolemic patients]. *Tehran Univ Med J* 2012; 69(12):737-43. (Persian)
27. Wu JH, Lee YT, Hsu HC, Hsieh LL. Influence of CETP gene variation on plasma lipid levels and coronary heart disease: A survey in Taiwan. *Atherosclerosis* 2001;159(2):451-8.
28. Hassanzadeh T, Firoozraei M, Zonouz AE, Zavarehei A, Paoli M. Taq1B polymorphism of cholesteryl ester transfer protein (CETP) gene in primary combined hyperlipidaemia. *Indian J Med Res* 2009; 129(3): 293-8.
29. Ghasabeh TH, Firoozraei M, Zonouz AE, Paoli M. Association between cholesteryl ester transfer protein Taq1B polymorphism with lipid levels in primary hyperlipidemic patients. *Eur J Lipid Sci Technol* 2008;110(3):225-31.
30. Ghasabeh TH, Firoozraei M, Zonouz AE, Radmehr H, Zavarehei A, Paoli M. One common polymorphism of cholesteryl ester transfer protein gene in Iranian subjects with and without primary hypertriglyceridemia. *Pak J Biol Sci* 2007;10(23):4224-9.
31. Meena K, Misra A, Vikram N, Ali S, Pandey R, Luthra K. Cholesterol ester transfer protein and apolipoprotein E gene polymorphisms in hyperlipidemic Asian Indians in North India. *Mol Cell Biochem* 2011;352(1):189-96.
32. Tanrikulu S, Ademoglu E, Gurdol F, Mutlu-Turkoglu U, Bilge AK, Nisanci Y. Association of cholesteryl ester transfer protein- 629C>A polymorphism with high - density lipoprotein cholesterol levels in coronary artery disease patients. *Cell Biochem Funct* 2009;27(7):452-7.
33. Isbir T, Yilmaz H, Agachan B, Karaali Z. Cholesterol ester transfer protein, apolipoprotein E and lipoprotein lipase genotypes in patients with coronary artery disease in the Turkish population. *Clin Gen* 2003;64(3):228-34.

Original Article

Msp1 Polymorphism of Cholesteryl Ester Transfer Protein in Patients with Hypercholesterolemia

T. Hassanzadeh, Ph.D. ^{*}; A. Barkhordary, M.Sc. ^{**}; M. Saidijam, Ph.D. ^{***}; A. Fattahi, M.Sc. ^{**}
Z. Latifi, M.Sc.

Received: 20.1.2013 Accepted: 21.5.2013

Abstract

Introduction & Objective: It has been shown that there is a correlation between cholesterol concentration and coronary heart disease (CHD). Cholesteryl ester transfer protein (CETP) plays a central role in lipoproteins metabolism and it has been suggested that various polymorphisms in CETP gene can affect the enzyme activity and blood lipid parameters. There was not enough information about distribution and effects of Msp1 genotypes on lipid levels, especially in Iranian population. Therefore, we studied CETP Msp1 polymorphism and its effects on lipid parameters in subjects with and without hypercholesterolemia.

Materials & Methods: In this experimental study, 100 subjects with hypercholesterolemia and 200 healthy individuals were selected as the study population. Lipid parameters and CETP activity were measured in serum. Determination of Msp1 genotypes was performed using polymerase chain reaction and restriction fragment length polymorphism techniques.

Results: Frequency of M1 allele in hypercholesterolemic and healthy subjects was 27% and 21.25% respectively. The frequency of M1M1 genotype was significantly high in hypercholesterolemic patients compared to healthy ones. The levels of LDL-C and TC in patients with M1M1 genotype were higher than patients with M1M2 and M2M2 genotypes. CETP activity was high in all subjects with M1M1 genotype.

Conclusion: It has been concluded that the Msp1 polymorphism of CETP probably affects lipid parameters and CETP activity.

(*Sci J Hamadan Univ Med Sci* 2013; 20 (2):107-113)

Keywords: Cholesteryl Ester Transfer Protein / Hypercholesterolemia / Polymorphism

* Assistant Professor , Department of Biochemistry, School of Medicine
Hamadan University of Medical Sciences & Health Services, Hamadan, Iran.

** M.Sc. in Biochemistry, Hamadan University of Medical Sciences & Health Services, Hamadan, Iran. (zeinablatifi@yahoo.com)

*** Associate Professor , Department Molecular Medicine & Genetics, School of Medicine
Hamadan University of Medical Sciences & Health Services, Hamadan, Iran.